

نام خانوادگی نگارنده: عالم		نام: مهسا
عنوان پایان نامه: ارزیابی ایمونوانفورماتیکی احتمال شباهت مولکولی پروتئین های برخی میکروب ها براساس تقلید مولکولی در بیماری خود التهابی روده (IBD) و بررسی واریانت های ژنتیکی دخیل در این بیماری		
اساتید راهنما: دکتر سید میثم ابطحی فروشانی، دکتر نسیم حاجی قهرمانی، دکتر سید سعید حسینی اصل		
اساتید مشاور: دکتر رسول نعمتی، دکتر فرهاد پورفرزی		
مقطع تحصیلی: دکترای تخصصی	رشته: ایمنی شناسی	گرایش: -
دانشگاه: دانشگاه ارومیه	دانشکده: دامپزشکی	
تاریخ فارغ التحصیلی: اسفند ۱۴۰۳	تعداد صفحه: 252	
چکیده		
<p>بیماری التهابی روده (IBD) یک بیماری خود التهابی مزمن سیستم ایمنی در افراد مستعد ژنتیکی است که از پاسخ ایمنی ناکافی به آنتیژن های میکروبی در روده ناشی می شود. با توجه به ارتباط بین میکروبیوم و بیماری های خود ایمنی، این مطالعه از تقلید مولکولی با رویکرد ایمونوانفورماتیک برای تجزیه و تحلیل نقش باکتری های دستگاه گوارش در ایمونوپاتوژنز IBD استفاده کرد. تجزیه و تحلیل شباهت های آمینو اسید بین پروتئین های شوک حرارتی (HSPs) باکتریایی و انسانی شباهت های چشمگیر (90-100%) را با توجه به درخت تکاملی نشان داده و برای تحقیقات بیشتر مورد توجه قرار گرفت. اپی توپ های مورد هدف لنفوسیت های CTL و HTL استخراج و برای بررسی همپوشانی، با استفاده از روش هایی مانند BLASTP برای مقایسه مناطق اپی توپی مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفتند. سپس اپی توپ ها فیلتر و برای تعیین برهمکنش در کمپلکس TCR-pMHC آنالیز شدند. این کار از طریق داکینگ اتصال ساختاری سه بعدی گیرنده پروتئین و لیگاند پپتیدی انجام و با روش شبیه سازی دینامیک مولکولی (MD) تأیید گردید. نتایج این مطالعه برای پیشبرد درک ما از تعامل بین HSP باکتریایی و انسانی و پیامدهای آنها برای فرآیندهای مختلف بیولوژیکی ارزشمند خواهد بود چراکه درک مولکولی گسترده از علت این بیماری علاوه بر کشف ایمونوپاتوژنز بیماری، نویدبخش توسعه درمانی آگاهانه است.</p> <p>علاوه بر این، ما 794 پلی مورفیسم ژن مربوط به IBD را بررسی و 19 توالی مرجع (rs) را شناسایی کردیم که به طور قابل توجهی بر حساسیت به بیماری تأثیر می گذارند. در این مطالعه، به دنبال بررسی پیامدهای توالی افراد کنترل با استفاده از توالی یابی کل اگزوم (WES)، پنج نوع واریانت مختلف ژنی برای بررسی آزمایشگاهی با</p>		

استفاده از روش ARM's PCR در بیماران مورد مطالعه انتخاب شدند. این پنج نوع واریانت ژنی شامل: LACC1 (rs3764147)، IL17F (rs763780)، GPR35 (rs3749171)، GCKR (rs1260326) و CARD (rs4079751) بودند. این نتایج درک ما را از عوامل ژنتیکی موثر در IBD افزایش می‌دهد.

واژه‌های کلیدی:

بیماری خودالتهابی روده، ایمونواینفورماتیک، تقلید مولکولی، واریانت ژنتیکی